



Alice Traversa

✉ Indirizzo e-mail: a.traversa@unilink.it

ESPERIENZA LAVORATIVA

Ricercatore a tempo determinato

Università degli Studi "Link Campus University" [12/2023 – Attuale]

Città: Roma

Paese: Italia

SSD MED/46 – Scienze tecniche di medicina di laboratorio, presso il Dipartimento di Scienze della Vita, della Salute e delle Professioni Sanitarie. Attività di ricerca svolta in collaborazione con il Laboratorio di Biotecnologie cellulari, Dipartimento di Medicina Sperimentale, Sapienza Università di Roma, nell'ambito del progetto PRIN 2020 N. 2020XMLP45_002 "Epigenetic-sensitive mechanisms, coding/non-coding genes, and paracrine mediators in multipotent stem cells from epicardial fat" e di altri progetti di ricerca.

Borsista

Fondazione Buzzati-Traverso [05/2023 – 09/2023]

Città: Roma

Paese: Italia

Attività di ricerca svolta presso la Sezione di Ematologia, Dipartimento di Medicina Traslazionale e di Precisione, Sapienza Università di Roma nell'ambito del Progetto AIRC 5x1000 "Metastatic disease: the key unmet need in oncology".

Assegnista di ricerca

Sapienza Università di Roma [11/2021 – 10/2022]

Città: Roma

Paese: Italia

Attività di ricerca svolta presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale (Sapienza Università di Roma) e il Policlinico Umberto I (U.O.C. Genetica Medica; U.O.C. Patologia Clinica, Laboratorio screening neonatale e malattie genetico-metaboliche) nell'ambito del progetto "Sviluppo di un approccio integrato per l'analisi di casi non diagnosticati" e del Progetto di Ateneo 2021 N.RM12117A800D7980 "The role of non-coding RNAs in dental anomalies".

Collaboratore di Ricerca

Casa Sollievo della Sofferenza, Istituto Mendel [05/2017 – 10/2021]

Città: Roma

Paese: Italia

Attività di ricerca svolta presso il gruppo di Genomica Clinica nell'ambito dei progetti di Ricerca Corrente del Ministero della Salute N.RC1701GC14 "Caratterizzazione delle basi molecolari di due condizioni Mendeliane rare ad interesse bucco-facciale: il genioplasmo e l'agenesia dei canini" e N. RC1903MX33 "Genetic, clinical and imaging study of corpus callosum abnormalities in prenatal and postnatal cases".

Borsista post-dottorato

Fondazione Telethon [04/2016 – 03/2017]

Città: Roma

Paese: Italia

Attività di Ricerca svolta presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale e il Dipartimento di Biotecnologie Cellulari ed Ematologia (Sapienza Università di Roma), e presso il Dipartimento di Ematologia, Oncologia e Medicina Molecolare, Reparto di Fisiopatologia delle Malattie Genetiche (Istituto Superiore di Sanità) nell'ambito del progetto Telethon Exploratory N.GEP15102 "Elucidating the genetic heterogeneity of Zimmermann-Laband syndrome"

Studente di Dottorato in visita

Duke University Medical Center [09/2013 – 09/2014]

Città: Durham

Paese: Stati Uniti

Dal 09/2013 al 02/2014 e dal 07/2014 al 09/2014.

Attività di ricerca svolta presso il Center for Human Disease Modeling, Department of Cell Biology, Duke University Medical Center (Durham, USA) nell'ambito delle ricerche relative alla Tesi di Dottorato e progetti correlati.

Borsista Dottorato di Ricerca

Sapienza Università di Roma [11/2012 – 10/2015]

Città: Roma

Paese: Italia

Attività di Ricerca svolta presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale (Sapienza Università di Roma), il Dipartimento di Ematologia, Oncologia e Medicina Molecolare, Reparto di Fisiopatologia delle Malattie Genetiche (Istituto Superiore di Sanità), e il Center for Human Disease Modeling, Department of Cell Biology, Duke University Medical Center (Durham, USA) nell'ambito delle ricerche relative alla Tesi di Dottorato e progetti correlati, tra cui il progetto Telethon N.GGP13107 "Molecular bases of Noonan syndrome and related disorders".

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Specializzazione in Genetica Medica

Sapienza Università di Roma [11/2020 – Attuale]

Città: Roma

Paese: Italia

Dottorato di Ricerca in Biologia Umana e Genetica Medica (curriculum: Genetica Medica), XXVIII ciclo

Sapienza Università di Roma [03/03/2016]

Città: Roma

Paese: Italia

Tesi: "Characterization of molecular bases of Myhre syndrome"

Abilitazione all'esercizio della professione di Biologo Specialista

[2015]

Laurea Magistrale in Biologia ed Evoluzione Umana

Università degli Studi di Roma "Tor Vergata" [22/05/2012]

Città: Roma

Paese: Italia

Tesi: "Identificazione delle cause molecolari della sindrome di Myhre"

Laurea Triennale in Biologia Umana

Università degli Studi di Roma "Tor Vergata" [15/07/2009]

Città: Roma

Paese: Italia

Tesi: "Validazione dell'assegnazione ad un aplogruppo mediante marcatori STR"

PUBBLICAZIONI

Small RNAs and tooth development: the role of microRNAs in tooth agenesis and impaction.

Giovannetti A, Guarnieri R, Petrizzelli F, Lazzari, S; Padalino G; **Traversa A**; Napoli A; Di Giorgio R; Pizzuti A; Parisi C; Mazza T; Barbato E, Caputo V.

J Dent Sci. 2024 Mar; (accepted manuscript).

Additional lesions identified by genomic microarrays are associated with an inferior outcome in low-risk chronic lymphocytic leukaemia patients.

Rigolin GM, **Traversa A**, Caputo V, Del Giudice I, Bardi A, Saccenti E, Raponi S, Ilari C, Cafforio L, Giovannetti A, Pizzuti A, Guarini A, Foà R, Cuneo A.

Br J Haematol. 2023 Sep;202(5):953-959. doi: 10.1111/bjh.18946. PMID: 37357817

Long-term consequences of reduced availability and compensatory supplementation of sialylated HMOs on cognitive capabilities.

Pisa E, **Traversa A**, Caputo V, Ottomana AM, Hauser J, Macri S.

Front. Cell. Neurosci. 2023 Jan; 17(21). doi: 10.3389/fncel.2023.1091890

MiRLog and dbmiR: Prioritization and functional annotation tools to study human microRNA sequence variants.

Giovannetti A, Bianco SD, **Traversa A**, Panzironi N, Bruselles A, Lazzari S, Liorni N, Tartaglia M, Carella M, Pizzuti A, Mazza T, Caputo V.

Hum Mutat. 2022 Sep;43(9):1201-1215. doi: 10.1002/humu.24399. PMID: 35583122

Potassium Channel KCNH1 Activating Variants Cause Altered Functional and Morphological Ciliogenesis.

Napoli G, Panzironi N, **Traversa A**, Catalanotto C, Pace V, Petrizzelli F, Giovannetti A, Lazzari S, Cogoni C, Tartaglia M, Carella M, Mazza T, Pizzuti A, Parisi C, Caputo V.

Mol Neurobiol. 2022 Aug;59(8):4825-4838. doi: 10.1007/s12035-022-02886-4. PMID: 35639255

Molecular Approaches in Fetal Malformations, Dynamic Anomalies and Soft Markers: Diagnostic Rates and Challenges-Systematic Review of the Literature and Meta-Analysis.

Mastromoro G, Guadagnolo D, Khaleghi Hashemian N, Marchionni E, **Traversa A**, Pizzuti A.

Diagnostics (Basel). 2022 Feb 23;12(3):575. doi: 10.3390/diagnostics12030575. PMID: 35328129

Exposure to 3'Sialyllactose-Poor Milk during Lactation Impairs Cognitive Capabilities in Adulthood.

Pisa E, Martire A, Chiodi V, **Traversa A**, Caputo V, Hauser J, Macrì S.

Nutrients. 2021 Nov 23;13(12):4191. doi: 10.3390/nu13124191. PMID: 34959743

Sialylated human milk oligosaccharides program cognitive development through a non-genomic transmission mode.

Hauser J, Pisa E, Arias Vásquez A, Tomasi F, **Traversa A**, Chiodi V, Martin FP, Sprenger N, Lukjancenko O, Zollinger A, Metairon S, Schneider N, Steiner P, Martire A, Caputo V, Macrì S.

Mol Psychiatry. 2021 Jul;26(7):2854-2871. doi: 10.1038/s41380-021-01054-9. PMID: 33664475

GDF5 mutation case report and a systematic review of molecular and clinical spectrum: Expanding current knowledge on genotype-phenotype correlations.

Genovesi ML, Guadagnolo D, Marchionni E, Giovannetti A, **Traversa A**, Panzironi N, Bernardo S, Palumbo P, Petrizzelli F, Carella M, Mazza T, Pizzuti A, Caputo V.

Bone. 2021 Mar;144:115803. doi: 10.1016/j.bone.2020.115803. PMID: 33333243

Heterozygous nonsense ARX mutation in a family highlights the complexity of clinical and molecular diagnosis in case of chromosomal and single gene disorder co-inheritance.

Traversa A, Marchionni E, Giovannetti A, Genovesi ML, Panzironi N, Margiotti K, Napoli G, Picci Sparascio F, De Luca A, Petrizzelli F, Carella M, Cardona F, Bernardo S, Manganaro L, Mazza T, Pizzuti A, Caputo V.

Mol Genet Genomic Med. 2020 Aug;8(8):e1336. doi: 10.1002/mgg3.1336. PMID: 32519823

Genomic and physiological resilience in extreme environments are associated with a secure attachment style.

Caputo V, Pacilli MG, Arisi I, Mazza T, Brandi R, **Traversa A**, Casasanta G, Pisa E, Sonnessa M, Healey B, Moggio L, D'Onofrio M, Alleva E, Macrì S.

Transl Psychiatry. 2020 Jun 9;10(1):185. doi: 10.1038/s41398-020-00869-4. PMID: 32518224

Co-occurring WARS2 and CHRNA6 mutations in a child with a severe form of infantile parkinsonism.

Martinelli S, Cordeddu V, Galosi S, Lanzo A, Palma E, Pannone L, Ciolfi A, Di Nottia M, Rizza T, Bocchinfuso G, **Traversa A**, Caputo V, Farrotti A, Carducci C, Bernardini L, Cogo S, Paglione M, Venditti M, Bentivoglio A, Ng J, Kurian MA, Civiero L, Greggio E, Stella L, Trettel F, Sciaccaluga M, Roseti C, Carrozzo R, Fucile S, Limatola C, Di Schiavi E, Tartaglia M, Leuzzi V.

Parkinsonism Relat Disord. 2020 Mar;72:75-79. doi: 10.1016/j.parkreldis.2020.02.003. PMID: 32120303

Prenatal whole exome sequencing detects a new homozygous fukutin (FKTN) mutation in a fetus with an ultrasound suspicion of familial Dandy-Walker malformation.

Traversa A, Bernardo S, Paiardini A, Giovannetti A, Marchionni E, Genovesi ML, Guadagnolo D, Torres B, Paolacci S, Bernardini L, Mazza T, Carella M, Caputo V, Pizzuti A.

Mol Genet Genomic Med. 2020 Jan;8(1):e1054. doi: 10.1002/mgg3.1054. PMID: 31756055

Unusual Segregation of APP Mutations in Monogenic Alzheimer Disease.

Mastromoro G, Gambardella S, Marchionni E, Campopiano R, **Traversa A**, Di Bonaventura C, Pizzuti A.

Neurodegener Dis. 2019;19(2):96-100. doi: 10.1159/000502906. PMID: 31578030

Small 7p22.3 microdeletion: Case report of Snx8 haploinsufficiency and neurological findings.

Mastromoro G, Capalbo A, Guido CA, Torres B, Fabbretti M, **Traversa A**, Giacotti A, Ventriglia F, Bernardini L, Spalice A, Pizzuti A.

Eur J Med Genet. 2020 Apr;63(4):103772. doi: 10.1016/j.ejmg.2019.103772. PMID: 31568860

Biallelic SQSTM1 mutations in early-onset, variably progressive neurodegeneration.

Muto V, Flex E, Kupchinsky Z, Primiano G, Galehdari H, Dehghani M, Cecchetti S, Carpentieri G, Rizza T, Mazaheri N, Sedaghat A, Vahidi Mehrjardi MY, **Traversa A**, Di Nottia M, Kousi MM, Jamshidi Y, Cioffi A, Caputo V, Malamiri RA, Pantaleoni F, Martinelli S, Jeffries AR, Zeighami J, Sherafat A, Di Giuda D, Shariati GR, Carrozzo R, Katsanis N, Maroofian R, Servidei S, Tartaglia M.

Neurology. 2018 Jul 24;91(4):e319-e330. doi: 10.1212/WNL.0000000000005869. PMID: 29959261

Whole exome sequencing in an Italian family with isolated maxillary canine agenesis and canine eruption anomalies.

Barbato E, **Traversa A**, Guarnieri R, Giovannetti A, Genovesi ML, Magliozzi MR, Paolacci S, Cioffi A, Pizzi S, Di Giorgio R, Tartaglia M, Pizzuti A, Caputo V.

Arch Oral Biol. 2018 Jul;91:96-102. doi: 10.1016/j.archoralbio.2018.04.011. PMID: 29705498

Mutations Impairing GSK3-Mediated MAF Phosphorylation Cause Cataract, Deafness, Intellectual Disability, Seizures, and a Down Syndrome-like Facies.

Niceta M, Stellacci E, Gripp KW, Zampino G, Kousi M, Anselmi M, **Traversa A**, Cioffi A, Stabley D, Bruselles A, Caputo V, Cecchetti S, Prudente S, Fiorenza MT, Boitani C, Philip N, Niyazov D, Leoni C, Nakane T, Keppler-Noreuil K, Braddock SR, Gillessen-Kaesbach G, Palleschi A, Campeau PM, Lee BH, Pouponnot C, Stella L, Bocchinfuso G, Katsanis N, Sol-Church K, Tartaglia M.

Am J Hum Genet. 2015 May 7;96(5):816-25. doi: 10.1016/j.ajhg.2015.03.001. PMID: 25865493

Novel SMAD4 mutation causing Myhre syndrome.

Caputo V, Bocchinfuso G, Castori M, **Traversa A**, Pizzuti A, Stella L, Grammatico P, Tartaglia M.

Am J Med Genet A. 2014 Jul;164A(7):1835-40. doi: 10.1002/ajmg.a.36544. PMID: 24715504

PRESENTAZIONI ORALI

Introduction to Next-generation sequencing technologies and application to Mendelian Diseases

[07/01/2020]

Relatore al seminario presso il Corso di Laurea magistrale in Genetica e Biologia Molecolare, curriculum in lingua inglese, Sapienza Università di Roma.

Introduzione alle tecniche NGS; Annotazioni di geni e varianti. Filtraggio e prioritizzazione delle varianti. Selezione di varianti geniche e loro validazione. Database genomici di riferimento

[24/10/2019 – 25/10/2019]

Relatore presso il corso "NGS, varianti geniche e studi funzionali. L'esoma nella diagnostica. L'omica e le discipline biomolecolari" Scuola Medica Ospedaliera, Roma, Italia.

Introduction to Next-generation sequencing technologies and application to Mendelian Diseases

[10/01/2019]

Relatore al seminario presso il Corso di Laurea magistrale in Genetica e Biologia Molecolare, curriculum in lingua inglese, Sapienza Università di Roma

Molecular bases of Zimmermann-Laband syndrome and related disorders

[12/03/2017]

Relatore alla convention "3rd Skeleton Meeting", Fondazione Telethon, Riva del Garda (TN), Italy.

De novo mutations affecting the GSK3 phosphorylation motifs within the transactivation domain of MAF cause Aymé-Gripp syndrome

[30/11/2015]

Relatore al convegno "6th BeMM symposium 2015", Sapienza Università di Roma

CONTRIBUTI A CONFERENZE

MiRLog and dbmiR: prioritization and functional annotation tools to study human microRNA sequence variants

Giovannetti A, Bianco S D, **Traversa A**, Bruselles A, Lazzari S, Liorni N, Tartaglia M, Carella M, Pizzuti A, Mazza T, Caputo V.
XXV Congresso Nazionale SIGU (poster)

New heterozygous SALL4 nonsense variant causing Duane Radial Ray/Okhiro Syndrome

Marchionni E, Panzironi N, Mastromoro G, Guadagnolo D, Di Palma F, Giovannetti A, **Traversa A**, Caputo V, Pizzuti A.
XXIII Congresso Nazionale SIGU Virtual edition (poster).

Absence of 6'Sialyllactose during lactation impairs cognitive capabilities and modulates gene expression.

Pisa E, **Traversa A**, Caputo V, Martire A, Chiodi V, Hauser J, Macrì S.
Federation of European Neuroscience Societies 2020 virtual forum (poster).

GDF5 clinical and molecular spectrum: expanding current knowledge on genotype-phenotype correlations

Guadagnolo D, Genovesi ML, Marchionni E, Giovannetti A, Panzironi N, **Traversa A**, Di Palma F, Mastromoro G, Palumbo P, Carella M, Mazza T, Caputo V, Pizzuti A.
European Human Genetics Conference 2020 (poster).

Next generation sequencing approaches for prenatal and postnatal molecular diagnosis of isolated and complex corpus callosum anomalies

Traversa A, Marchionni E, Giovannetti A, Margiotti K, Genovesi ML, Panzironi N, Napoli G, Bernardo S, Guadagnolo D, Paiardini A, Picci Sparascio F, De Luca A, Torres B, Bernardini L, Mazza T, Carella M, Caputo V, Pizzuti A. 2019.
XXII Congresso Nazionale SIGU (poster).

Prenatal whole exome sequencing detects a novel fukutin (FKTN) mutation in a fetus with a suspected recurrence of Dandy-Walker malformation

Traversa A, Marchionni E, Giovannetti A, Genovesi M, Bernardo S, Guadagnolo D, Panzironi N, Napoli G, Torres B, Paiardini A, Bernardini L, Mazza T, Carella M, Caputo V, Pizzuti A. 2019.
European Human Genetics Conference 2019 (poster).

Increased availability of the human milk oligosaccharide sialyl(alpha2,3)lactose during lactation promotes the development of executive functions.

Pisa E, Tomasi F, **Traversa A**, Caputo V, Macrì S, Hauser J.
48th meeting of the European Brain and Behavioural Society (EBBS) (comunicazione orale).

WES analysis provides evidence of digenic inheritance in a child with infantile parkinsonism

Cordeddu V, Martinelli S, Galosi S, Lanzo A, Palma E, Pannone L, **Traversa A**, Ciolfi A, Bocchinfuso G, Caputo V, Farrotti A, Bernardini L, Venditti M, Stella L, Trettel F, Sciacaluga M, Fucile S, Carrozzo R, Limatola C, Di Schiavi E, Leuzzi V, Tartaglia M.
XXI Congresso Nazionale SIGU (poster).

7p22.3 microdeletion: case report of isolated haploinsufficiency of SNX8 and neurological findings

Capalbo A, Mastromoro G, Guido CA, **Traversa A**, Giancotti A, Ventriglia F, Bernardini L, Spalice A, Pizzuti A.
XXI Congresso Nazionale SIGU (poster).

InCAS: an integrative annotator of human copy number variants using functional genomic features

Giovannetti A, Truglio M, **Traversa A**, Castellana S, Petrizzelli F, Goldoni M, Genovesi ML, Panzironi N, Napoli G, Palumbo P, Palumbo O, Bernardini L, Pizzuti A, Carella M, Caputo V, Mazza T.
XXI Congresso Nazionale SIGU (poster).

InCAS: an integrative annotator of human copy number variants using functional genomic features.

Giovannetti A, **Traversa A**, Castellana S, Truglio M, Fusilli C, Goldoni M, Genovesi ML, Panzironi N, Napoli G, Palumbo P, Palumbo O, Bernardini L, Pizzuti A, Carella M, Caputo V, Mazza T.
European Human Genetics Conference 2018 (poster).

Biallelic SQSTM1 mutations in early-onset, variably progressive neurodegeneration

Muto V, Flex E, Kupchinsky Z, Primiano G, Galehdari H, Dehghani M, Cecchetti S, Carpentieri G, Rizza T, Mazaheri N, Sedaghat A, Mehrjardi M, **Traversa A**, Di Nottia M, Kousi M, Jamshidi Y, Ciolfi A, Caputo V, Malamiri R, Pantaleoni F, Martinelli S, Jeffries A, Zeighami J, Sherafat A, Di Giuda D, Shariati G, Carrozzo R, Katsanis N, Maroofian R, Servidei S, Tartaglia M.

European Human Genetics Conference 2018 (poster).

Il ruolo della CMA nello studio dei disturbi del neurosviluppo: annotazione funzionale delle Copy Number Variations in 604 pazienti caratterizzati mediante RM encefalica.

Cesario C, Goldoni M, Milone R, Giovannetti A, Truglio M, **Traversa A**, Torres B, Fusilli C, Novelli A, Mazza T, Caputo V, Battini R, Bernardini L.

XX Congresso Nazionale SIGU (comunicazione orale).

Elucidating the genetic heterogeneity of Zimmermann-Laband syndrome

Traversa A, Flex E, Paolacci S, Carpentieri G, Catalanotto C, Napoli G, Ciolfi A, Bruselles A, Pizzi S, Melis D, Della Monica M, Garavelli L, Pizzuti A, Digilio MC, Zampino G, Tartaglia M, Caputo V.

XIX Telethon scientific convention (poster).

Molecular characterization of Myhre Syndrome

Traversa A, Cordeddu V, Bocchinfuso G, Stella L, Silengo M, Ferrero GB, Castori M, Grammatico P, Boccone L, Garavelli L, Melis D, Pizzuti A, Caputo V, and Tartaglia M.

XVIII Congresso Nazionale SIGU (poster).

Missense mutations in MAF cause Fine-Lubinsky Syndrome

Niceta M, Stellacci E, Gripp KW, Zampino G, **Traversa A**, Ciolfi A, Bruselles A, Caputo V, Keppler-Noreuil K, Niyazov DM, Nakane T, Philip N, Stabley D, Sol-Church K, Tartaglia M.

European Human Genetics Conference 2014 (comunicazione orale).

Missense mutations in MAF cause Fine-Lubinsky Syndrome

Niceta M, Stellacci E, Gripp KW, Zampino G, **Traversa A**, Ciolfi A, Bruselles A, Caputo V, Keppler-Noreuil K, Niyazov DM, Nakane T, Philip N, Stabley D, Sol-Church K, Tartaglia M.

Convegno Nazionale SIGU 2014 (comunicazione orale).

ATTIVITÀ DI REVISORE PER RIVISTE PEER-REVIEWED

Genes (MDPI)

[Attuale]

Cells (MDPI)

[Attuale]

ULTERIORI INFORMAZIONI

ORCID

<https://orcid.org/0000-0001-6138-6179>

Iscrizione all'Albo Professionale dei Biologi, sezione A

N. AA_092608

11/03/2024